

SLCO1B1 c.521T>C RealFast™ Assay

REF 7-210
-20°C / 2-8°C

100 réactions

CE IVD



ViennaLab Diagnostics GmbH

Gaudenzdorfer Guertel 43-45

A-1120 Vienna, Austria

Phone: (+43-1) 8120156-0

info@viennalab.com

www.viennalab.com

1. Utilisation

Le SLCO1B1 c.521T>C RealFast™ Assay est un test PCR rapide et précis en temps réel pour détecter la variante c.521T>C dans le gène *solute carrier organic anion transporter family member 1B1 (SLCO1B1)*. La variante c.521T>C qui apparaît dans les allèles SLCO1B1*5, *15 et *17 conduit à une fonction réduite de la protéine de transport codée et par conséquent pour certains médicaments, comme par exemple les statines, à une capacité réduite d'absorption dans le foie et à une montée du niveau plasmatique. Le kit sert à identifier les patients présentant un risque élevé de myopathie induite par les statines. Ce test qualitatif distingue dans l'ADN humain trois génotypes possibles SLCO1B1 c.521T>C associés à un risque de myopathie normal (T/T), élevé (T/C) et très élevé (C/C).

Séquence de référence: HGVS: NG_011745.1:g.52422T>C; NM_006446.4:c.521T>C; NCBI dbSNP: rs4149056.

2. Introduction

Les statines sont les médicaments les plus souvent prescrits pour faire baisser et contrôler la faible densité des lipoprotéines (LDL). Elles sont en général considérées comme sûres et bien tolérées. Quelques patients présentant cependant une toxicité musculaire arrêtent le traitement aux statines. Le spectre clinique peut aller de doubleurs fréquentes, avec ou sans perte musculaire, à des affections musculaires très rares, mais graves assorties d'affections rénales (rhabdomyolyse).

Le risque d'une myopathie causée par les simvastatines dépend des doses et il est 4 fois plus élevé chez les patients avec une allèle c.521C et 17 fois plus élevé chez les patients avec deux allèles c.521C. La directive du Clinical Pharmacogenetics Implementation Consortium (CPIC) pour SLCO1B1 et la myopathie induite par les simvastatines recommande d'adapter les doses de simvastatines selon le génotype du patient (cf. www.pharmgkb.org).

3. Composants du kit

RealFast™ 2x Genotyping Mix 1 Vial couvercle blanc 1000 µl
SLCO1B1 c.521T>C Assay Mix 1 Vial couvercle violet 550 µl
SLCO1B1 c.521T>C TT-Control 1 Vial couvercle vert 75 µl
SLCO1B1 c.521T>C CC-Control 1 Vial couvercle rouge 75 µl

Le RealFast™ 2x Genotyping Mix comprend HotStart Taq DNA polymérase et des dNTPs dans un système tampon optimisé.

Le SLCO1B1 c.521T>C Assay Mix se compose de primers génoséparés SLCO1B1 et de deux sondes d'hydrolyse spécifiques d'allèle munies d'un double marqueur. De plus vous disposez dans le kit des matrices témoins pour le génotype SLCO1B1 c.521TT et CC.

Le kit comprend des réactifs pour 100 réactions de chacune d'un volume final de 20 µl.

4. Stockage et stabilité

Le SLCO1B1 c.521T>C RealFast™ Assay est livré sur des blocs de refroidissement. Stockez le kit après réception à -20°C. Ou bien si vous l'utilisez à court terme en l'espace d'un mois, conservez-le de 2 à 8°C. Les réactifs perdurent sans perdre leur activité jusqu'à 20 cycles de congélation/décongélation. Evitez les expositions prolongées à la lumière directe. Stocké de manière correcte, le kit conserve toute sa fonctionnalité jusqu'à la date de péremption indiquée.

5. Description du produit

5.1. Principe du test

Le test repose sur un test fluorogène à la nucléase 5', connu aussi sous le nom de TaqMan®-Assay. Chaque réaction contient une paire de primers génoséparés qui amplifie un fragment 91 bp du gène SLCO1B1 et deux sondes d'hydrolyse allèles-spécifiques, munies d'un marqueur double, qui s'hybride à la séquence cible du fragment amplifié. La proximité directe entre les indicateurs fluorescents 5' et les colorants 3' sur une sonde intacte inhibe la fluorescence. Au cours de la PCR l'activité exonucléase 5' – 3' de la polymérase ADN Taq clive l'indicateur fluorescent 5' de l'échantillon hybridisé. La séparation spatiale du fluorophore du quencher provoque un signal fluorescent en temps réel, qui est proportionnel à la quantité du produit de la PCR.

Dans les échantillons SLCO1B1 c.521TT, la sonde c.521T marquée HEX s'hybride au brin complémentaire du fragment de gène amplifié. Il en résulte un fort signal fluorescent dans le canal HEX (556nm) et aucun signal ou un moins fort situé sur la ligne de base dans le canal FAM (520nm). Inversement, dans des échantillons SLCO1B1 c.521CC, la sonde c.521C marquée FAM s'hybride au brin complémentaire du fragment de gène amplifié. On peut ainsi détecter un signal fluorescent fort dans le canal FAM et aucun ou un signal plus faible situé sur la ligne de base dans le canal HEX. Pour les échantillons hétérozygotes (SLCO1B1 c.521TC), les deux sondes se lient aux amplicons et génèrent un signal intermédiaire dans les deux canaux de détection.

5.2. Compatibilité avec les machines de la PCR temps réel

Le SLCO1B1 c.521T>C RealFast™ Assay est homologué pour une utilisation avec l'appareil AB 7500 Fast.

Le kit est compatible avec différentes machines de la PCR en temps réel standards du commerce capables de détecter la fluorescence FAM et HEX:

- ✓ AB 7500 Fast (Applied Biosystems®)
- ✓ AB StepOne™ (Applied Biosystems®)
- ✓ CFX96™ (Bio-Rad)
- ✓ LightCycler® 480 (Roche)
- ✓ Mx3005P (Agilent Technologies)
- ✓ Rotor-Gene® 6000 (Qiagen)

» **Remarque:** RealFast™ Genotyping QuickGuides pour la programmation et l'exploitation des RealFast™ Assays sur différents types d'appareils peuvent être téléchargées à partir de: www.viennalab.com.

Si vous utilisez le AB StepOne™, il faut mettre le colorant de référence passif sur "ROX"! «

Le kit est livré sans ROX. Pour l'utilisation d'appareils PCR en temps réel nécessitant une haute concentration pour la normalisation des données (par ex. Applied Biosystems® StepOne™, 7300, 7900/7900HT), il faut ajouter du ROX dans une concentration finale de 1 µM à 2x Genotyping Mix.

5.3. Spécifications du test

La sensibilité a été déterminée à partir de 40 allèles, qui ont été testées positives à la variante SLCO1B1 c.521C à partir d'un test de référence. Le SLCO1B1 c.521T>C RealFast™ Assay a typé positives 40 allèles, ce qui équivaut à un taux de vrais positifs de 100%.

La spécificité a été déterminée à partir de 124 allèles, qui ont été testées négatives à la variante SLCO1B1 c.521C à partir d'un test de référence. Le SLCO1B1 C.521T>C RealFast™ Assay a typé négatives 165 allèles, ce qui équivaut à un taux de vrais négatifs de 100%.

Limite de détection: 0.2 ng ADN génomique (par réaction)

Concentration d'ADN recommandée: 2 à 20 ng/µl ADN génomique

6. Matériel nécessaire, mais non fourni

Appareil de la PCR en temps réel avec des filtres FAM (520 nm) et HEX (556 nm), tubes PCR optiques compatibles avec l'appareil, gants non-poudrés à usage unique, vortexer, minicentrifugeuse pour des tubes de 2.0 ml, racks pour tubes, set de micropipettes calibrées (0.5 – 1000 µl), des pointes de pipettes stériles avec des filtres aérosol, eau ultrapure, système d'extraction d'ADN, réfrigérateur et congélateur, contenant pour déchets biomédicaux.

7. Procédure

7.1. Extraction de l'ADN

Les réactifs d'extraction d'ADN **ne sont pas inclus** dans le kit.

L'ADN isolé à partir de différents échantillons (par ex. sang total, gouttes de sang séché, frottement à l'intérieur de la joue ou salive) peut être utilisé. L'extrait d'ADN doit bien sûr convenir à une amplification en terme de concentration, de pureté et d'intégrité.

Pour réaliser un génotypage fiable, la quantité d'ADN pour chaque réaction doit se situer dans une fourchette de 10 à 100 ng pour tous les échantillons.

7.2. Contrôle de la PCR

Incluez **toujours** un **No Template Control** (NTC) dans chaque test pour contrôler la présence d'éventuelles contaminations. Il est recommandé d'effectuer les NTC (utilisez une eau ultrapure à la place de l'ADN) comme duplicat.

Effectuez **toujours** le SLCO1B1 c.521T>C **TT-Control** et le SLCO1B1 c.521T>C **CC-Control** pour chaque test comme signaux de référence pour des échantillons inconnus. Certains logiciels de la PCR en temps réel, comme par ex. AB 7500 Fast, nécessitent pour interpréter correctement les résultats des signaux pour l'ensemble des trois génotypes possibles dans la "Allelic Discrimination Plot". Pour réaliser un contrôle hétérozygote (TC-Control) mélangez une aliquote du TT-Control et du CC-Control dans un rapport 1:1.

» **Remarque:** les TT- et CC-Controls représentent des sources de contaminations éventuelles, il faut donc veiller à les manipuler avec le plus grand soin. «

7.3. Préparation du SLCO1B1 c.521T>C RealFast™ Master-Mix

Décongelez complètement toutes les solutions, centrifugez-les brièvement après les avoir mélangées avec précaution. La réalisation de la PCR s'effectue à température ambiante. Préparez suffisamment de **Master-Mix** pour le nombre total d'amorces PCR prévues (N échantillons + contrôles positifs + contrôles négatifs) et calculez en plus au moins une réaction supplémentaire pour compenser une imprécision de pipetage:

Composants	Par réaction	Par ex. 24+1 réactions
RealFast™ 2x Genotyping Mix	10 µl	250 µl
SLCO1B1 c.521T>C Assay Mix	5 µl	125 µl
Master-Mix	15 µl	375 µl

Mettez **15 µl** de **Master-Mix** dans chaque godet. Pipetez et ajoutez **5 µl** d'**ADN** ou de **Control** Template pour obtenir un volume final de 20 µl.

Pour minimiser les risques de contaminations, pipetez les échantillons dans cet ordre: premièrement NTC, ensuite les échantillons, et finalement les contrôles positifs. Fermez immédiatement les récipients de réaction.

» **Remarque:** évitez les bulles d'air dans les mélanges finaux de réaction et les empreintes digitales sur les surfaces optiques des récipients de réaction qui peuvent toutes les deux altérer la mesure de la fluorescence. Centrifugez si nécessaire. «

7.4. Programme de la PCR

Programmez la machine PCR en temps réel comme indiqué par le fabricant pour les expériences de discrimination allélique ou de génotypage. Mettez les échantillons PCR dans le thermocycleur et lancez le programme suivant:

AB 7500 Fast, StepOne, CFX96™, LightCycler® 480, Mx3005P et autres machines reposant sur le bloc thermique Peltier:

Cycles	Temp	Durée	Etape
1	95 °C	3 min	Dénaturation initiale
40	95 °C	15 sec	Dénaturation
	60 °C	1 min	Annealing/Extension –
			Réception de données dans le canal FAM et HEX

Rotor-Gene® 6000:

Cycles	Temp	Durée	Etape
1	95 °C	3 min	Dénaturation initiale
40	95 °C	15 sec	Denaturation
	36-well rotor: 56 °C	1 min	Annealing/Extension –
			Réception de données dans le canal Green et Yellow

8. Analyse des données / interprétation des résultats

Le génotype d'un échantillon est déterminé à partir du rapport de signal entre les canaux de réception. Le signal détecté dans le **canal HEX (T)** est pour ce faire comparé au signal détecté dans le **canal FAM (C)**. La plupart des programmes d'évaluation PCR en temps réel représentent automatiquement les données issues des deux canaux sous forme d'un nuage de points. Les points de données se situant le long des axiales X- à savoir Y correspondent au génotype c.521TT, à savoir c.521CC, tandis que les points de données situés au milieu du nuage de points correspondent au génotype hétérozygote c.521TC. La NTC apparait en bas à gauche.

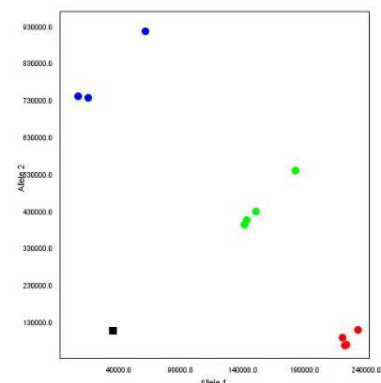
Contrôles	Amplification dans le canal FAM (520 nm)	Amplification dans le canal HEX (556 nm)	Génotype / risque de myopathie
TT-Control	NON	OUI	TT / normal
TC-Control	OUI	OUI	TC / élevé
CC-Control	OUI	NON	CC / très élevé
NTC	NON	NON	----

Pour certains logiciels il faut fixer manuellement des valeurs seuil (threshold) pour effectuer le génotypage correctement.

Recommandations pour le réglage de la valeur seuil (C_q):

Fixez la valeur seuil pour le canal FAM juste au-dessus du signal fluorescent de fond généré par le TT-Control (HEX positif). Fixez à l'inverse la valeur seuil pour le canal HEX juste au-dessus du signal fluorescent de fond du CC-Control (FAM positif).

Suivez les instructions de votre logiciel d'évaluation de la PCR en temps réel, pour analyser les données que vous avez obtenues.



9. Mises en garde et précautions

- Le kit est à utiliser uniquement pour des diagnostics *in vitro*.
- Pour manipuler les échantillons et les réactifs, mettez toujours des gants poudrés à usage unique et des vêtements de laboratoire appropriés.
- Effectuez l'extraction de l'ADN dans un endroit strictement séparé de celui où vous réalisez la préparation de la PCR.
- Utilisez un jeu de pipettes uniquement destiné à la préparation de la PCR et utilisez des pointes de pipettes avec un filtre aérosol.
- Utilisez uniquement des récipients PCR compatibles avec la machine, aux parois fines, avec un couvercle approprié à faire des mesures optiques.
- Ne mélangez pas de réactifs avec différents numéros de lot.
- N'utilisez pas de kits et de composants de kit périmés.